

Prova 1 – prima prova

- Il candidato/a descriva le procedure ed i flussi di lavoro richiesti per la valutazione della qualità e della quantità di una preparazione di acidi nucleici (RNA e DNA)
- Il candidato/a descriva i flussi di lavoro (fasi, processi e tempi) di una procedura di sequenziamento di acidi nucleici con tecnologia NGS (sequenziamento massivo parallelo)

Prova 2 – prima prova

- Il candidato/a descriva le procedure ed i flussi di lavoro richiesti per l'estrazione di acidi nucleici (RNA e DNA) da un tessuto patologico
- Il candidato/a descriva le procedure di laboratorio ed i criteri di interpretazione di un'analisi di instabilità dei microsatelliti (MSI)

Prova 3 – prima prova

- Il candidato/a descriva quali metodiche molecolari possono essere utilizzate per l'analisi di mutazioni puntiformi o polimorfismi a singolo nucleotide
- Il candidato/a descriva i flussi di lavoro (fasi, processi e tempi) di una procedura di sequenziamento di acidi nucleici mediante pirosequenziamento

Prova 1 – seconda prova

Applicazione di tecniche di sequenziamento massivo parallelo allo studio delle neoplasie

Prova 2 – seconda prova

L'evoluzione delle tecniche di sequenziamento (prima, seconda e terza generazione)

Prova 3 – seconda prova

Tecniche molecolari per l'analisi dei profili di espressione genica

